Cronograma de Actividades

Nombre del Curso : Diseño de proyectos de secuenciación y pre-procesamiento bioinformático de lecturas

FECHA	HORA	TEMA	EXPOSITOR
Semana 1	Horario abierto	-Introducción a la genómica (1 h)	Dra. Cristina Escobedo
02/05/22 al 08/05/22	11 h a la semana	-Consideraciones en la calidad y cantidad de ácidos	Fregoso
		nucléicos (1 h)	
		-Librerías de 16S y whole genome (2 h)	
		-Librerías RNA-Seq (1 h)	
		-Librerías epigenéticas y miRNA (2 h)	
		-Librerías SNPs y metabarcoding (1 h)	
		-Secuenciación masiva (2 h)	
		-Dudas y foro (1 h)	
Semana 2	Horario abierto	-Introducción a Linux (3 h)	Dra. Cristina Escobedo
09/05/22 al 15/05/22	8 h a la semana	-Bitácoras electrónicas en jupyter (3 h)	Fregoso
		-Dudas y foro (2 h)	
Semana 3	Horario abierto	Módulo 3 (12 h)	Dra. Cristina Escobedo
16/05/22 al 22/05/22	12 h a la semana	-Análisis de calidad de lecturas, FastQC (2 h)	Fregoso
		-Limpieza de lecturas (2 h)	
		-Anotación ontológica (4 h)	
		-Incorporar librerías a NCBI (2 h)	
		-Dudas y foro (2 h)	
Semana 4	Horario abierto	-Alineamiento y ensamblaje de transcriptomas (2 h)	Dra. Cristina Escobedo
23/05/22 al 30/05/22	9 h a la semana	-Ensamble de transcriptoma de novo (2 h)	Fregoso
		-Ensamble de transcriptoma con genoma (2 h)	
		-Exámen	
		Diseño de un proyecto de secuenciación masiva (3 h)	